

2025年度国家科学技术奖专家拟提名项目补充公示内容

一、自然科学奖

序号	项目名称	主要完成人（完成单位）	代表性论文（专著）目录	提名者	变更内容
1	生物信息获取与肿瘤早期信号识别的理论方法	吴 松（深圳大学） 蔡志明（深圳大学） 桂耀庭（北京大学深圳医院） 黄 毅（北京大学深圳医院） 唐爱发（深圳大学）	[1] Whole-genome and whole-exome sequencing of bladder cancer identifies frequent alterations in genes involved in sister chromatid cohesion and segregation. Nature genetics. DOI: 10.1038/ng.2798. [2] Frequent mutations of chromatin remodeling genes in transitional cell carcinoma of the bladder. Nature Genetics. DOI: 10.1038/ng.907. [3] Frequent mutations of genes encoding ubiquitin-mediated proteolysis pathway components in clear cell renal cell carcinoma. Nature Genetics. DOI: 10.1038/ng.1014. [4] Whole-genome sequencing identifies ADGRG6 enhancer mutations and FRS2 duplications as angiogenesis-related drivers in bladder cancer. Nature Communications. DOI: 10.1038/s41467-019-08576-5 [5] Single-cell sequencing reveals variants in ARID1A, GPRC5A and MLL2 driving self-renewal of human bladder cancer stem cells. European Urology. DOI: 10.1016/j.eururo.2016.06.025	毛军发（深圳大学） 丁文华（中央广播电视总台） 王 锐（兰州大学）	经完成单位申请，变更项目名称
2	蛋白质翻译后修饰调控细胞稳态的机制研究	朱卫国（深圳大学） 俞 立（清华大学） 赵 颖（北京大学） 王嘉东（北京大学） 许兴智（深圳大学）	[1] Cytosolic FoxO1 is essential for the induction of autophagy and tumour suppressor activity. Nature Cell Biology. 2010 Jul; 12(7): 665-75. doi: 10.1038/ncb2069. [2] Function and molecular mechanism of acetylation in autophagy regulation. Science. 2012 Apr 27; 336(6080): 474-7. doi: 10.1126/science.1216990. [3] Destabilization of linker histone H1. 2 is essential for ATM activation and DNA damage repair. Cell Research. 2018 Jul; 28(7): 756-770. doi: 10.1038/s41422-018-0048-0. [4] CtBP promotes homologous recombination by stabilizing MRE11 and controlling the assembly and activation of MRE11/RAD50/NBS1 complex. Molecular Cell. 2019 Sep 19; 75(6): 1299-1314.e6. doi: 10.1016/j.molcel.2019.06.023. [5] Autophagy regulates chromatin ubiquitination in DNA damage response through elimination of SQSTM1/p62. Molecular Cell. 2016 Jul 7; 63(1): 34-48. doi: 10.1016/j.molcel.2016.05.027. [6] Methylation of SUV39H1 by SET7/9 results in heterochromatin relaxation and genome instability. Proceedings of the National Academy of Sciences. 2013 Apr 2; 110(14): 5516-21. doi: 10.1073/pnas.1216596110.	郑利民（中山大学） 金冬雁（香港大学） 于晓方（浙江大学） 杨 震（北京大学深圳研究生院） 叶新山（北京大学）	经完成单位申请，变更提名专家